

# Seznam příspěvků přihlášených do poster session ENBIK2012

|  |  |
|--|--|
| <b>Novák Jiří</b><br>MFF UK, Praha   | Identifikace proteinových sekvencí s využitím nemetrického indexování databází hmotnostních spekter  |
| <b>Kolář Michal</b><br>Ústav molekulární genetiky AV ČR, Praha   | Zvýšená produce galektinu-1 v nádorovém stromatu vede k produkci faktorů asociovaných se špatnou prognózou dlaždicobuněčných karcinomů - bioinformatická analýza |
| <b>Réblová Kamila</b><br>CEITEC MU - Středoevropský technologický institut, Brno                                       | Studium efektů missense mutací v enzymu PheOH pomocí teoretických metod  |
| <b>Biedermannová Lada</b><br>Ústav biotechnologie AV ČR, Praha   | Studium transportních procesů ligandů uvnitř proteinových struktur   |
| <b>Brumovský Miroslav</b><br>CEITEC MU - Central european institute of technology, Brno                                | Vizualizace parciálních atomových nábojů: ukázka využití při posuzování reaktivity sloučenin a charakterizaci vazebních míst                                     |
| <b>Svoboda Pavel</b><br>Výzkumný ústav rostlinné výroby, Praha   | Využití DNA čipů pro stanovení změn genové exprese <i>Arabidopsis Thaliana</i> při působení 2,4,6-trinitrotoluenu (TNT)  |
| <b>Jaroň Kamil</b><br>Institut biostatistiky a analýz Lékařské a Přírodovědecké fakulty<br>Masarykovy univerzity, Brno | Genomické ostrovy v genomu plísně asociované se syndromem bílých nosů  |
| <b>Klimeš Vladimír</b><br>Ostravská univerzita v Ostravě, Katedra biologie a ekologie, Ostrava                         | Sekvenace a anotace jaderného genomu <i>Andalucia godoyi</i> (Discoba; Excavata)   |
| <b>Hamerník Petr</b><br>ChemAxon, s.r.o., Praha  | ChemAxon – softwarová řešení pro cheminformatiku   |
| <b>Uhlík Ondřej</b><br>VŠCHT v Praze, Praha  | Studium diversity bakterií v kontaminovaném prostředí s využitím pyrosekvenace amplikonů taxonomicky významných a funkčních genů                                 |
| <b>Sedlák David</b><br>Ústav molekulární genetiky AV ČR, Praha   | Profilování steroidní chemické knihovny pomocí panelu reportérových linií pro steroidní receptory  |
| <b>Čech Petr</b><br>VŠCHT v Praze, Praha   | Metody strojového učení pro klasifikaci konformací DNA   |
| <b>Škuta Ctibor</b><br>VŠCHT v Praze, Praha  | Vytěžování znalostí z dat: HTS profilování steroidních receptorů   |
| <b>Slávik Branislav</b><br>Mikrobiologický ústav AV ČR, Praha  | Biodiverzita mikrobiálních populací a jejich změny v průběhu bioremediací PAU kompostováním  |