

Seznam posterů přihlášených do poster session ENBIK2012

Novák Jiří KSI MFF UK, Praha 1	Identifikace proteinových sekvencí s využitím nemetrického indexování databází hmotnostních spekter
Kolář Michal Ústav molekulární genetiky AVČR, Praha 4	Zvýšená produkce galektinu-1 v nádorovém stromatu vede k produkci faktorů asociovaných se špatnou prognózou dlaždicobuněčných karcinomů - bioinformatická analýza
Réblová Kamila Ceitec MU, Brno	Studium efektů missense mutací v enzymu PheOH pomocí teoretických metod
Biedermannova Lada Institute of Biotechnology, Praha	Studium transportních procesů ligandů uvnitř proteinových struktur
Brumovský Miroslav CEITEC MU - Central european institute of technology, Brno	Vizualizace parciálních atomových nábojů: ukázka využití při posuzování reaktivity sloučenin a charakterizaci vazebných míst
Svoboda Pavel Výzkumný ústav rostlinné výroby, v.v.i., Praha	Využití DNA čipů pro stanovení změn genové exprese Arabidopsis Thaliana při působení 2,4,6-trinitrotoluenu (TNT)
Jaroň Kamil IBA, Bohumín	Genomické ostrovy v genomu plísně asociované se syndromem bílých nosů
Klímeš Vladimír Ostravská univerzita v Ostravě, Katedra biologie a ekologie, Ostrava	Sekvence a anotace jaderného genomu Andalucia godoyi (Discoba; Excavata)
Hamerník Petr ChemAxon, s.r.o., Praha 2	ChemAxon – softwarová řešení pro cheminformatiku
Uhlík Ondřej VŠCHT Praha, Praha 6	Studium diversity bakterií v kontaminovaném prostředí s využitím pyrosekvence amplikonů taxonomicky významných a funkčních genů
Sedlák David UMG AVCR, Praha	Profilování steroidní chemické knihovny pomocí panelu reportérových linií pro steroidní receptory
Čech Petr VŠCHT v Praze, Praha	Metody strojového učení pro klasifikaci konformací DNA
Škuta Ctibor VŠCHT v Praze, Praha	Vytěžování znalostí z dat: HTS profilování steroidních receptorů